

基因从普通小麦向山羊草属植物漂移可能性研究

吕爱枝^{1,3}, 赵和¹, 王天宇², 王海波¹

¹河北农林科学院遗传生理研究所植物基因工程中心, 石家庄 050051;

²中国农业科学院作物科学研究所, 北京 100081; ³河北北方学院农业科学系, 宣化 075000

摘要: 分别以山羊草属 4 个不同的种为母本, 以普通小麦为父本杂交, 将获得的杂种再进行回交和自交。结果表明, 不同种与普通小麦的可交配性存在较大差异, 在人工多次授粉并有激素处理的条件下, 粗山羊草与普通小麦的杂交结实率最高, 2 个基因型 Ae42 和 Y92 的杂交结实率分别为 46.49% 和 22.58%; 其次为卵穗山羊草, 2 个基因型 Ae23 和 Y100 的杂交结实率分别为 12.11% 和 14.76%; 柱穗山羊草位列第 3, 2 个基因型 Ae7 和 Y145 的杂交结实率分别为 2.23% 和 8.50%; 拟斯卑尔脱山羊草最低, 基因型 Ae48 的杂交结实率只有 0.19%。不同种的杂种胚产生愈伤组织率不同, 柱穗山羊草/小麦表现较高的水平, 卵穗山羊草/小麦次之, 粗山羊草/小麦第 3, 拟斯卑尔脱山羊草/小麦最低。卵穗山羊草/小麦的杂种幼胚直接成苗率最高, 其次为粗山羊草/小麦, 柱穗山羊草/小麦居第 3 位。山羊草与普通小麦杂种的育性较低, 在自然状态下, 只有卵穗山羊草/小麦能够自交结实, 但自交结实率仅为 0.044%, 其他杂种自交不能结实。在人工多次授粉并激素处理条件下, 用父、母本回交的结实率: 卵穗山羊草/普通小麦组合分别为 4.36% 和 3.71%, 柱穗山羊草/普通小麦组合分别为 0.33% 和 0, 粗山羊草/普通小麦组合分别为 0 和 0.33%。总体而言, 在自然条件下, 基因从普通小麦向山羊草属植物漂移的可能性比较小, 但对个别种如卵穗山羊草和柱穗山羊草成为基因漂移对象的可能性不可忽视。

关键词: 山羊草属; 普通小麦; 基因渐渗; 可交配性; 结实率

Possibility and Probability of Gene Introgression from Common Wheat into *Aegilops* L.

LV Ai-zhi^{1,3}, ZHAO He¹, WANG Tian-yu², WANG Hai-bo¹

¹ Plant Genetic Engineering Center, Institute of Genetics & Physiology, Hebei Academy of Agriculture and Forestry Sciences,

Shijiazhuang 050051; ² Institute of Crop Sciences, Chinese Academy of Agricultural Sciences, Beijing 100081;

³ Agronomy Department of Hebei North University, Xuanhua 075000

Abstract: In order to provide scientific information on the possibility and probability of gene introgression from common wheat (*Triticum aestivum*) into *Aegilops* species artificial hybridization was conducted using 7 genotypes from 4 wheat relative species as female parents, and common wheat as male parent. The result indicated that different *Aegilops* species had variable cross ability. Among the 4 *Aegilops* species, the highest hybridization rate was observed in the combination of *Ae. tauschii* × *T. aestivum* (46.49% for genotype Ae42 and 22.58% for Y92), the second in *Ae. ovata* × *T. aestivum* (14.76% for Y100 and 12.11% for Ae23), the third in *Ae. cylindrica* × *T. aestivum* (2.23% for Ae7, 8.50% for Y145), and the lowest in *Ae. speltoides* × *T. aestivum* (0.19%). Hybrid embryos from different combinations had different ability of callus initiation and germination. The hybrid embryos from *A. ovata* / *T. aestivum* and *Ae. tauschii* / *T. aestivum* had higher level of callus initiation and germination, *Ae. cylindrica* / *T. aestivum* had medium level, while the *Ae. speltoides* had lower level. The interspecific hybrids between *Aegilops* and common wheat had very low fertility. In backcrosses, the seed-set rates of *Ae. ovata* / *T. aestivum* was 3.71% and 4.36%, respec-

收稿日期: 2010-03-05 修回日期: 2010-12-01

基金项目: 欧盟 INCO-DC 计划资助项目 (ERBIC18CT980391)

作者简介: 吕爱枝, 在读博士, 副教授, 主要从事遗传学和分子生物学教学及作物育种研究工作。E-mail: Aizhi_l@yahoo.com.cn

赵和为共同第一作者

通讯作者: 王海波, 博士, 研究员, 主要从事生物技术研究工作

tively when backcrossed with male and female parents, while for the hybrids of *A. cylindrica* / *T. aestivum*, they were 0 and 0.33%, respectively, and for *A. tauschii* / *T. aestivum*, 0.33% and 0, respectively. On selfing of the hybrids, the seed-set rates were 0 (no seed set from 9750 florets) for the combination of *Ae. cylindrica* / *T. aestivum*, 0.044% (3 selfed seeds out of 6870 florets) for *A. ovata* / *T. aestivum*, and 0 (no seed set from 7253 florets) for *A. tauschii* / *T. aestivum*. These results suggested that the probability of gene introgression from *T. aestivum* into *Aegilops* species was very low in nature.

Key words: *Aegilops* L.; *Triticum aestivum* L.; Gene introgression; Cross-ability; Seed-set rate

目标基因由普通小麦 (*Triticum aestivum*) 向相关近缘野生种漂移的可能性是转基因小麦田间释放时需要考虑的主要问题。根据目前对普通小麦起源的研究, 山羊草属 (*Aegilops* L.) 是普通小麦染色体组的重要来源, 与小麦亲缘关系很近。由于山羊草属植物蕴涵着许多抗病、抗虫、抗逆、高蛋白含量及其他丰富的基因资源, 在研究上侧重于其基因库的开拓挖掘、有益基因向小麦遗传背景的导入利用等遗传改良以及遗传进化等方面^[1-3]。近年来, 随着转基因小麦的问世^[6], 小麦基因向山羊草属植物转移, 以及这些基因能否在杂种后代中稳定传递成为转基因小麦的环境安全性评估的重要内容。小麦基因向山羊草属植物漂移在西班牙、瑞士等国已有发现^[7], 国内还未见相关报道。

杂交率因亲本的基因型及其生长发育的环境条件的不同而存在差异。属间杂交需要考虑的因素更多, 比如亲本间花期相遇与否、开花特性、温度和湿度等。本研究分别以山羊草属中的 4 个主要种, 拟斯卑尔脱山羊草 (*Aegilops speltoides*, $2n = 2X = BB = 14$)、粗山羊草 (*Ae. tauschii*, $2n = 2X = DD = 14$)、柱穗山羊草 (*Ae. cylindrica*, $2n = 4X = CCDD = 28$) 和卵穗山羊草 (*Ae. ovata* $2n = 2X = C^*C^*M^*M^* = 28$) 为母本与小麦杂交, 并进行杂种自交和回交研究, 旨在探究基因由小麦向山羊草转移的最大可能性, 为转基因小麦的生态安全性评价提供理论依据。

1 材料与方法

1.1 材料

母本材料为拟斯卑尔脱山羊草 Ae48、粗山羊草 2 个变异类型 Ae42 和 Y92、柱穗山羊草 2 个变异类型 Ae7 和 Y145、卵穗山羊草的 2 个变异类型 Ae23 和 Y100。上述这些材料均由中国农科院作物科学研究所提供。父本材料为 3 个普通小麦品种石 4185、石 9306 和 J1361, 由石家庄农业科学院提供。

1.2 杂交授粉与激素处理

在温室内分期种植上述母本和父本材料, 以保

证花期相遇。小麦野生近缘种开花前去雄, 1~2d 后授以上述 3 个普通小麦品种的混合花粉, 次日重复授粉一次。在授粉后的第 2 天和第 3 天, 用 $10 \mu\text{l}$ 100mg/ml 2,4-D 溶液每天滴柱头一次。授粉 12~16d 后取下杂种穗, 统计结实情况。

1.3 幼胚培养及杂种回交

剥取授粉 12~16d 幼嫩种子, 置 0.1% 的升汞中灭菌 8min, 无菌水冲洗 3 次后剖出幼胚, 一部分置于愈伤诱导培养基 (MS 附加 2mg/L 2,4-D), 先诱导出愈伤, 再将杂种愈伤在不附加任何激素的 MS 培养基上诱导成苗; 将另一部分幼胚置于幼苗萌发培养基 (MS₀) 直接长苗, 或者进行活体-离体胚培养 (即将幼胚放于同时挖去幼胚的小麦种子胚的部位, 并将该杂合种子放置在 MS₀ 培养基上, 在人工气候室中培养) 的方法直接成苗。再将杂种苗移栽于温室。开花时一部分杂种用原母本或父本回交 (继续实施重复授粉、激素处理等方法), 12~16d 调查回交结实数, 并对回交中实行胚拯救。另一部分杂种自然自交, 一个月后调查自交结实数。

回交结实率 = 结实数 / 去雄小花数

自交结实率 = 结实数 / 调查小花数

2 结果与分析

2.1 小麦与山羊草的可交配性

遗传因素决定父母本的可交配性。山羊草与普通小麦的可交配性因母本的不同而不同。总的来说, 粗山羊草与普通小麦间具有较高的可交配性, 2 个基因型 Ae42 和 Y92 与小麦的杂交结实率分别达 46.49% 和 22.58%; 卵穗山羊草与小麦的可交配性次之, 2 个基因型 Ae23 和 Y100 与普通小麦的杂交结实率分别为 12.11% 和 14.76%; 柱穗山羊草与小麦的可交配性较前两者低, 2 个基因型 Ae7 和 Y145 与普通小麦的杂交结实率分别为 2.23% 和 8.50%; 拟斯卑尔脱山羊草与小麦的可交配性最低, 基因型 Ae48 与普通小麦的杂交结实率只有 0.19% (表 1)。上述普通小麦与山羊草各个种的杂交结实率是相对

表 1 普通小麦与山羊草杂交结实率

Table 1 Hybridization between *T. aestivum* and *Aegilops* L.

母本 Female parent	基因型 Genotype	去雄穗数 No. of castrated spikes	授粉小花数 No. of pollinated florets	结实数 No. of seedsetting	结实率(%) Rate of seed setting
拟斯卑尔脱山羊草 <i>Ae. speltoides</i>	Ae48	100	1578	3	0.19
粗山羊草 <i>Ae. tauschii</i>	Ae42	82	998	464	46.49
	Y92	103	1262	285	22.58
柱穗山羊草 <i>Ae. cylindrica</i>	Ae7	98	628	14	2.23
	Y145	67	741	63	8.50
卵穗山羊草 <i>Ae. ovata</i>	Ae23	47	809	98	12.11
	Y100	50	956	141	14.76

稳定的,不会因去雄穗数的相对减少而有太大差异。

山羊草与普通小麦杂种幼胚的出愈率和直接成苗率因母本的不同而不同。虽然粗山羊草与小麦的杂交结实率最高,但杂种胚的出愈率较低约 10%。卵穗山羊草与普通小麦的杂种幼胚的出愈率(66.7%~72.1%)居第 2 位。柱穗山羊草与普通小麦杂种幼胚的出愈率(80%~100%)最高(表

2)。卵穗山羊草与普通小麦杂种幼胚的直接成苗率(75%~84.2%)最高,其次为粗山羊草与小麦的杂种幼胚,直接成苗率为 28.6%~33.3%,柱穗山羊草与普通小麦的杂种幼胚的直接成苗率为 15.4%~25%。拟斯卑尔脱山羊草与普通小麦只获得 3 个杂种幼胚,出愈率和直接成苗率均为 0(分别为 0/2 和 0/1)。

表 2 杂种幼胚培养情况

Table 2 Culture results of immature hybrid embryos

杂交组合 Cross combination	诱导愈伤接种胚数 No. of embryos cultured for calli	形成愈伤率(%) Percentage of embryos inducing calli	直接成苗接种胚数 No. of embryos cultured for seedlings	直接成苗率(%) Percentage of seedlings produce directly
<i>Ae. speltoides</i> Ae48/ <i>T. aestivum</i>	2	0	1	0
<i>Ae. tauschii</i> Ae42/ <i>T. aestivum</i>	197	10.2	14	28.6
<i>Ae. tauschii</i> Y92/ <i>T. aestivum</i>	39	10.3	6	33.3
<i>Ae. cylindrica</i> Ae7/ <i>T. aestivum</i>	10	100	4	25.0
<i>Ae. cylindrica</i> Y145/ <i>T. aestivum</i>	40	80.0	13	15.4
<i>Ae. ovata</i> Ae23/ <i>T. aestivum</i>	46	72.1	14	75.0
<i>Ae. ovata</i> Y100/ <i>T. aestivum</i>	78	66.7	19	84.2

2.2 远缘杂种的育性

山羊草×普通小麦杂种植株生长旺盛,在形态上介于双亲之间。杂种的育性因山羊草种的不同表现差异,但总体来讲育性较差。在自然授

粉状态下,粗山羊草/普通小麦和柱穗山羊草/普通小麦的杂种自交结实率均为 0,卵穗山羊草/小麦杂种的自交结实率也仅为 0.044%(表 3)。

表 3 杂种自交结实情况

Table 3 Selfing of interspecific hybrids

杂种 F ₁ Hybrid F ₁	穗数 No. of spikes	小花数 No. of florets	结实数 No. of seed setting	结实率(%) Percentage of seed setting
粗山羊草/小麦 <i>Ae. Tauschii</i> / <i>T. aestivum</i>	225	7253	0	0
柱穗山羊草/小麦 <i>Ae. cylindrica</i> / <i>T. aestivum</i>	468	9750	0	0
卵穗山羊草/小麦 <i>Ae. ovata</i> / <i>T. aestivum</i>	539	6870	3	0.044

在多次授粉并有激素处理的回交中,粗山羊草/普通小麦杂种用粗山羊草回交不结实,用普通小麦回交可结实,结实率为 0.33%;柱穗山羊草/普通小麦

杂种用柱穗山羊草回交可结实,结实率为 0.33%,用普通小麦回交没有产生后代;卵穗山羊草/普通小麦杂种的回交结实率相对较高,用卵穗山羊草作父

本回交的结实率为 4.36%，用普通小麦作父本回交时结实率为 3.71% (表 4)。

表 4 杂种回交结实情况

Table 4 Backcrosses of interspecific hybrids

杂种 F ₁ Hybrid F ₁	轮回亲本 Recurrent parent	去雄穗数 No. of castrated spikes	去雄小花数 No. of castrated florets	结实数 No. of seed setting	结实率(%) Percentage of seed setting
粗山羊草/小麦 <i>Ae. tauschii</i> / <i>T. aestivum</i>	普通小麦	30	916	3	0.33
	粗山羊草	86	2432	0	0
柱穗山羊草/小麦 <i>Ae. cylindrica</i> / <i>T. aestivum</i>	普通小麦	70	1358	0	0
	柱穗山羊草	70	1204	4	0.33
卵穗山羊草/小麦 <i>Ae. ovata</i> / <i>T. aestivum</i>	普通小麦	154	1886	70	3.71
	卵穗山羊草	65	871	38	4.36

3 讨论

山羊草属具有 5 个基本基因组 C、D、M、S 和 U，其中 D 和 S (也称为 B) 基因组在小麦的起源和进化中起着非常重要的作用^[8-10]。本研究的试验材料涉及了山羊草属中的 4 个种，包含了上述 5 个染色体组。山羊草属为一年生自花或常异花授粉植物，也存在天然异交的可能性。拟斯卑尔脱山羊草、粗山羊草、柱穗山羊草和卵穗山羊草与小麦属间人工杂交均有报道^[11-14]，但多限于远缘杂交在遗传育种中的应用。本研究同时选取上述 4 个不同种山羊草与普通小麦人工杂交。在实施胚拯救的情况下，与普通小麦最容易杂交的是粗山羊草，最高获得 46.49% 的属间杂种；其次，获得普通小麦和卵穗山羊草间杂种最高为 14.76%；获得普通小麦和柱穗山羊草间杂种最高为 12.11%；杂交结实率最低的是拟斯卑尔脱山羊草。不同山羊草种以及同一山羊草种的不同基因型与普通小麦杂交表现不同的可交配性，说明它们与小麦杂交的潜在能力不同。Guadagnuolo 等^[7]用普通小麦与柱穗山羊草进行大田授粉试验，获得了 1% 和 7% 的属间杂交种子。Loureiro 等^[15]在大田环境下，获得了 0.39% 的普通小麦和卵穗山羊草间的属间杂种。本试验表明普通小麦和柱穗山羊草间潜在杂交结实率能达到 10% 以上。本试验实施胚拯救提高了杂交结实率，克服了大田环境下各种自然因素导致的不确定性，更能揭示普通小麦与山羊草间杂交结实潜力。

小麦基因能否在山羊草中稳定传递，取决于回交和自交的结实情况。本研究以山羊草作母本获得的杂种，再用两亲本分别回交。相比而言，杂种回交表现各有不同。用卵穗山羊草回交其与小麦的杂

种，结实率较高，为 4.36%。用柱穗山羊草回交其与小麦的杂种也能结实，结实率为 0.33%。卵穗山羊草/小麦杂种自交也能结实，结实率为 0.044%。Loureiro 等^[15]也证实普通小麦和卵穗山羊草属间杂交能够产生回交后代(达到 8%)。普通小麦-卵穗山羊草属间杂种的育性高于普通小麦-柱穗山羊草属间杂种的育性。普通小麦与卵穗山羊草、柱穗山羊草属间杂种的育性很低。

普通小麦基因能否转移到山羊草属中，与很多因素有关。比如花期是否相遇，杂种花粉能否与母本回交并结实、回交过程能否持续多代等。任何一个环节都可能影响属间基因的转移。试验结果表明，尽管采取重复授粉和激素处理等措施，山羊草与普通小麦杂交和回交结实率仍很低，自然杂交和回交的结实率更低。从这方面讲，在自然条件下，基因从普通小麦转移到山羊草属，并在后者群体中稳定传递比较困难。但对个别种如卵穗山羊草和柱穗山羊草成为基因漂移对象的可能性不可忽视。

参考文献

- [1] 翁跃进. 山羊草属基因库的开拓利用[J]. 作物品种资源, 1995(3): 29-32
- [2] 袁汉民, 杨欣明, 张富国, 等. 用普通小麦与近缘属间的复合杂交创造小麦新种质[J]. 植物遗传资源学报, 2004, 5(4): 13-16
- [3] 王玉海, 王黎明, 鲍印广, 等. 偏凸-柱穗山羊草双二倍体与普通小麦不同杂种世代的染色体及性状分离特点[J]. 作物学报, 2009, 35(7): 93-99
- [4] 袁汉民, 王小亮, 陈东升, 等. 普通小麦远缘杂交 F₁ 代表现型研究[J]. 植物遗传资源学报, 2005, 6(4): 15-18, 23
- [5] Hsam S L K, Lapochkina I F, Zeller F J. Chromosomal location of genes for resistance to powdery mildew in common wheat (*Triticum aestivum* L. em. Thell.). 8. Gene Pm32 in a wheat-*Aegilops speltoides* translocation line[J]. Euphytica, 2003, 133: 367-370

(下转第 270 页)

- [78] Tivoli B, Baranger A, Avila C M, et al. Screening techniques and sources of resistance to foliar diseases caused by major necrotrophic fungi in grain legumes[J]. *Euphytica*, 2006, 147: 223-253
- [79] Makkouk K M, Kumari S G, Van L J. Screening and selection of faba bean (*Vicia faba* L.) germplasm resistant to bean leafroll virus[J]. *Aust J Agric Res*, 2002, 53: 1077-1082
- [80] Gadh I P S, Bernier C C. Resistance in faba bean (*Vicia faba*) to bean yellow mosaic virus[J]. *Plant Dis*, 1984, 68: 109-111
- [81] Kumari S G, Makkouk K M. Differentiation among bean leaf roll virus susceptible and resistant lentil and faba bean genotypes on the basis of virus movement and multiplication[J]. *J Phytopathol*, 2003, 151: 19-25
- [82] Kumari S G, Rodoni B, Veteen H J, et al. Detection and partial characterization of *Milk vetch dwarf virus* isolates from faba bean (*Vicia faba* L.) in Yunnan Province, China[J]. *J Phytopathol*, 2010, 158: 35-39
- [83] Bradley D, Carpenter R, Copsey L, et al. Control of inflorescence architecture in *Antirrhinum*[J]. *Nature*, 1996, 379: 791-797
- [84] Pnueli L, Carmel G L, Hareven D, et al. The *SELF-PRUNING* gene of tomato regulates vegetative to reproductive switching of sympodial meristems and is the ortholog of *CEN* and *TFL1*[J]. *Development*, 1998, 125: 1979-1989
- [85] Amaya I, Ratcliffe O J, Bradley D J. Expression of *CENTRO RADIALIS* (*CEN*) and *CEN*-like genes in tobacco reveals a conserved mechanism controlling phase change in diverse species[J]. *Plant Cell*, 1999, 11: 1405-1417
- [86] Foucher F, Morin J, Courtiade J, et al. *DETERMINATE* and *LATE FLOWERING* are two *TERMINAL FLOWER 1/CENTRO RADIALIS* homologs that control two distinct phases of flowering initiation and development in pea[J]. *Plant Cell*, 2003, 15: 2742-2754
- [87] Bradley D, Ratcliffe O, Vincent C, et al. Inflorescence commitment and architecture in *Arabidopsis*[J]. *Science*, 1997, 275: 80-83
- [88] Carmen M A, Salvador N, Teresa M M, et al. Development of a simple PCR-based marker for the determination of growth habit in *Vicia faba* L. using a candidate gene approach[J]. *Mol Breed*, 2006, 17: 185-190
- [89] Avila C M, Atienza S G, Moreno M T, et al. Development of a new diagnostic marker for growth habit selection in faba bean (*Vicia faba* L.) breeding[J]. *Theor Appl Genet*, 2007, 115: 1075-1082
- [90] Link W, Balko C, Stoddard F L. Winter hardiness in faba bean: Physiology and breeding[J]. *Field Crops Res*, 2010, 115: 287-296
- [91] Herzog H. A quantitative method to assess freezing resistance in faba beans[J]. *J Agron Crop Sci*, 1987, 158: 195-204
- [92] Picard J, Duc G, Peletier R. CotedOr, a highly frost resistant population of *Vicia faba* L. [J]. *FABIS Newlett*, 1985, 13: 11-12
- [93] Xia M Z. Effects of soil drought during the generative development phase of faba bean (*Vicia faba*) on photosynthetic characters and biomass production[J]. *J Agric Sci*, 1994, 122: 67-72
- [94] Pliez B E, Kong T, Schubert S, et al. Effect of water stress of plant growth, nitrogenase activity and nitrogen economy of four different cultivars of *Vicia faba* L. [J]. *Eur J Agron*, 1995, 4: 167-173
- [95] Stoddard F L, Balko C, Erskine W, et al. Screening techniques and sources of resistance to abiotic stresses in cool-season food legumes[J]. *Euphytica*, 2006, 147: 167-186
- [96] Morgan J M. Osmoregulation and water stress in higher plants[J]. *Ann Rev Plant Physiol*, 1984, 35: 299-319
- [97] Morgan J M, Rodriguez M B, Knights E J. Adaptation to water deficit in chickpea breeding lines by osmo regulation: relationship to grain yields in the field[J]. *Field Crops Res*, 1991, 27: 61-70
- [98] Worku T, Tenasch L. Water potential as a selection criterion for drought tolerance by different durum wheat genotypes[J]. *Genet Asp Plant Min Nutrit*, 1990, 331-337
- [99] Blum A, Sullivan C Y. The comparative drought resistance of land races of sorghum and millet from dry and humid regions[J]. *Ann Bot*, 1986, 57: 835-846
- [100] Katerji N, Mastrorilli M, Hamdy A, et al. Water status and osmotic adjustment of broad bean (*Vicia faba* L.) in response to soil fertility[J]. *Acta Hort*, 2002, 573: 305-310
- [101] Amede T, Kitlitz E V, Schubert S. Differential drought responses of faba bean (*Vicia faba* L.) inbred lines[J]. *J Agron Crop Sci*, 1999, 183: 35-45
- [102] Khan H R, Link W, Hocking T J, et al. Evaluation of physiological traits for improving drought tolerance in faba bean (*Vicia faba* L.) [J]. *Plant Soil*, 2007, 292: 205-217
- [103] Manschadi A M, Sauerborn J, Stutzel H, et al. Simulation of faba bean (*Vicia faba* L.) root system development under Mediterranean conditions[J]. *Eur J Agron*, 1998, 9: 259-272
- [104] Benjamin J G, Nielsen D C. Water deficit effects on root distribution of soybean, field pea and chickpea[J]. *Field Crops Res*, 2006, 97: 248-253
- [105] Grzesiak S, Iijima M, Kono Y, et al. Differences in drought tolerance between cultivars of field bean and field pea. A comparison of drought-resistant and drought-sensitive cultivars [J]. *Acta Physiol Plant*, 1997, 19: 349-357
- [106] Nunes C, Araujo S D, Silva J M, et al. Physiological responses of the legume model *Medicago truncatula* cv. Jemalong to water deficit[J]. *Environ Exp Bot*, 2008, 63: 289-296
- [107] Chaves M M, Maroco J P, Pereira J S. Understanding plant responses to drought: from genes to the whole plant[J]. *Funct Plant Biol*, 2003, 30: 239-264

(上接第 258 页)

- [6] Jones H D, Shewry P R. Transgenic wheat, barley and oats: production and characterization protocols [M]. New York: Humana Press, 2008: 3-20
- [7] Guadagnuolo R, Savova-Bianchi D, Felber F. Gene flow from wheat (*Triticum aestivum* L.) to jointed goatgrass (*Aegilops cylindrica* Host.), as revealed by RAPD and microsatellite markers[J]. *Theor Appl Genet*, 2001, 103(1): 1-8
- [8] 孔令让, 董玉琛. 粗山羊草 (*Aegilops tauschii*) 有效利用研究进展[J]. *山东农业大学学报*, 1998, 29(4): 543-546
- [9] 潘建刚, 张改生, 牛娜, 等. 山羊草属不同细胞质对小麦籽粒戊聚糖含量的影响[J]. *麦类作物学报*, 2008, 28(5): 33-36
- [10] 樊路, 韩敬花, 潘淑婷. 利用 *ph1b* (*ph1*) 基因从山羊草属直接遗传转移有益基因到普通小麦中的可能性[J]. *中国农业科学*, 1988, 21(3): 94-95
- [11] Loureiro I, Escorial M C, Garcia-Baudin J M et al. Evidence of natural hybridization between *Aegilops geniculata* and wheat under field conditions in Central Spain[J]. *Env Bio Res*, 2006, 5(2): 105-109
- [12] Gill B S. Endosperm abortion and the production of viable *Aegilops squarrosa* × *Triticum boeoticum* hybrids by embryo culture [J]. *Plant Sci Lett*, 1981, 23(2): 181-187
- [13] Sharma H C, Gill B S. The use of *pb1* gene in direct genetic transfer and search for *pblike* gene in polyploidy *Aegilops* species[J]. *Z Pflanzenzüchtg*, 1986, 96: 1-7
- [14] 董玉琛. 小麦远缘杂交育种[C]//21世纪小麦遗传育种展望: 小麦遗传育种国际学术讨论会文集. 北京: 中国农业出版社, 2001
- [15] Loureiro I, Escorial M C, Garcia-Baudin J M, et al. Hybridization between wheat (*Triticum aestivum* L.) and the wild species *Aegilops geniculata* and *A. biuncialis* under field conditions[J]. *Agric Ecosyst Environ*, 2006, 10: 15

基因从普通小麦向山羊草属植物漂移可能性研究

作者: [吕爱枝](#), [赵和](#), [王天宇](#), [王海波](#), [LV Ai-zhi](#), [ZHAO He](#), [WANG Tian-yu](#), [WANG Hai-bo](#)
作者单位: [吕爱枝, LV Ai-zhi \(河北农林科学院遗传生理研究所植物基因工程中心, 石家庄, 050051; 河北北方学院农业科学系, 宣化, 075000\)](#), [赵和, 王海波, ZHAO He, WANG Hai-bo \(河北农林科学院遗传生理研究所植物基因工程中心, 石家庄, 050051\)](#), [王天宇, WANG Tian-yu \(中国农业科学院作物科学研究所, 北京, 100081\)](#)
刊名: [植物遗传资源学报](#) **ISTIC|PKU**
英文刊名: [JOURNAL OF PLANT GENETIC RESOURCES](#)
年, 卷(期): 2011, 12 (2)

参考文献(15条)

- [1. Guadagnuolo R; Savova-Bianchi D; Felber F Gene flow from wheat \(Triticum aestivum L.\) to jointed goatgrass \(Aegilops cylindrica Host.\), as revealed by RAPD and microsatellite markers](#) [外文期刊] 2001 (01)
- [2. Jones H D; Shewry P R Transgenic wheat, barley and oats: production and characterization protocols](#) 2008
- [3. Hsam S L K; Lapochkina I F; Zeller F J Chromosomal location of genes for resistance to powdery mildew in common wheat \(Triticum aestivum L. em. Thell.\). 8. Gene Pm32 in a wheat-Aegilops speltoides translocation line](#) [外文期刊] 2003 (3)
- [4. 袁汉民; 王小亮; 陈东升 普通小麦远缘杂交F1代表现型研究](#) [期刊论文] - [植物遗传资源学报](#) 2005 (04)
- [5. 翁跃进 山羊草属基因库的开拓利用](#) 1995 (03)
- [6. Loureiro I; Escorial M C; Garcia-Baudin J M Hybridization between wheat \(Triticum aestivum L.\) and the wild species Aegilops geniculata and A. biuncialis under field conditions](#) 2006
- [7. 董玉琛 小麦远缘杂交育种](#) 2001
- [8. Sharma H C; Gill B S The use of pbl gene in direct genetic transfer and search for pbl like gene in polyploidy Aegilops species](#) 1986
- [9. Gill B S Endosperm abortion and the production of viable Aegilops squarrosa × Triticum boeoticum hybrids by embryo culture](#) [外文期刊] 1981 (02)
- [10. Loureiro I; Escorial M C; Garcia-Baudin J M Evidence of natural hybridization between Aegilops geniculata and wheat under field conditions in Central Spain](#) [外文期刊] 2006 (02)
- [11. 樊路; 韩敬花; 潘淑婷 利用pH1 6\(pH1\)基因从山羊草属直接遗传转移有益基因到普通小麦中的可能性](#) 1988 (03)
- [12. 潘建刚; 张改生; 牛娜 山羊草属不同细胞质对小麦籽粒淀粉含量的影响](#) [期刊论文] - [麦类作物学报](#) 2008 (05)
- [13. 孔令让; 董玉琛 粗山羊草\(Aegilops tauschii\)有效利用研究进展](#) 1998 (04)
- [14. 王玉海; 王黎明; 鲍印广 偏凸-柱穗山羊草双二倍体与普通小麦不同杂种世代的染色体及性状分离特点](#) [期刊论文] - [作物学报](#) 2009 (07)
- [15. 袁汉民; 杨欣明; 张富国 用普通小麦与近缘属间的复合杂交创造小麦新种质](#) 2004 (04)